

# Stemphylium lycopersici es el agente causal de la "Mancha Gris de la Hoja" del tomate en las zonas de producción hortícola de Argentina



E. Franco<sup>1</sup>, J. Vera Bahima<sup>1, 2</sup>, A. Bárcena<sup>2</sup>, S. López<sup>2</sup>, R. Medina<sup>1</sup>, G. Pastorino<sup>2</sup>, D. Salvucci<sup>2</sup>, M. I. Troncozo<sup>2</sup>, M. Saparrat<sup>2, 3</sup> y P. A. Balatti<sup>1</sup>.

1: Centro de Investigaciones de Fitopatología FCAyF-UNLP-CIC. 2: Instituto de Fisiología Vegetal UNLP-CONICET. 3: Instituto Carlos Spegazzini FCNyM-UNLP.

E-mail: ernesfranco@hotmail.com

## INTRODUCCIÓN

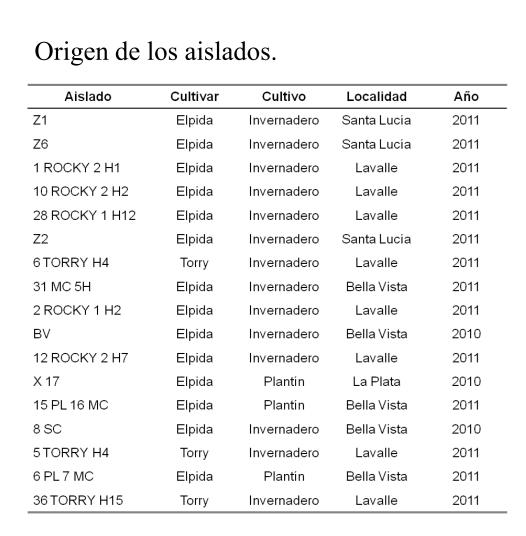
La "mancha gris de la hoja" del tomate (*Solanum lycopersicum* Miller) tiene como agente etiológico a hongos del complejo *Stemphylium*. La incidencia de esta enfermedad se ha incrementado en los últimos años, observándose además incrementos en la severidad de la patología en las latitudes más australes del país.

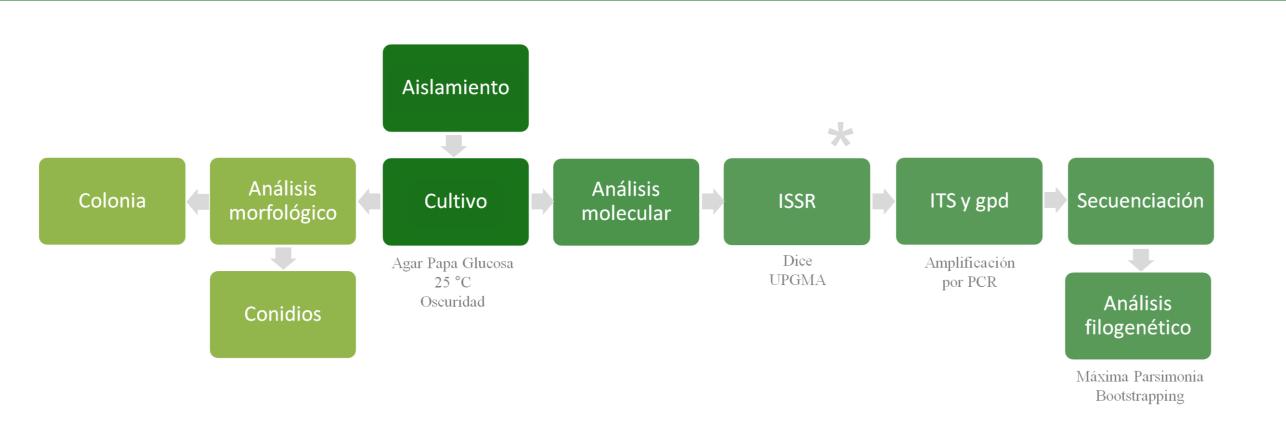
El **objetivo general** del trabajo es manejar la patología provocada por el complejo *Stemphylium* para lo cual se procedió a identificar a los agentes etiológicos aislados a partir de plantas con sintomatología típica de la enfermedad en base a características morfológicas y moleculares.

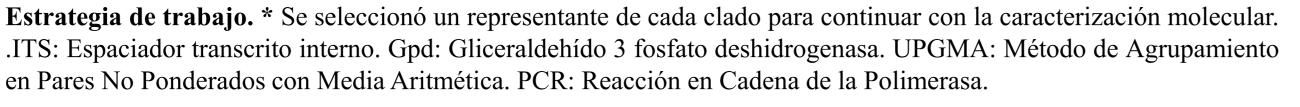


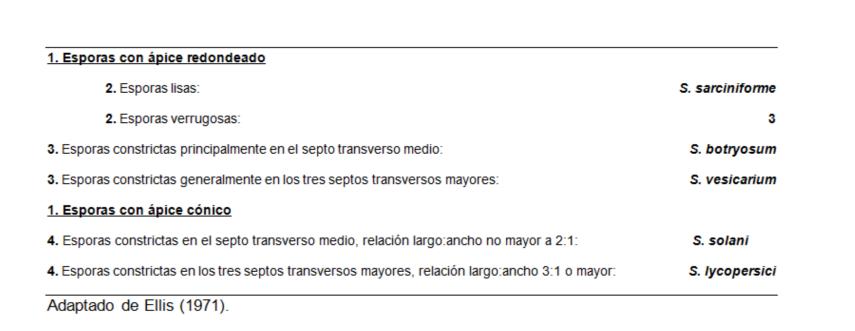
Mancha gris de la hoja en plantas de tomate.

### MATERIALES Y METODOS

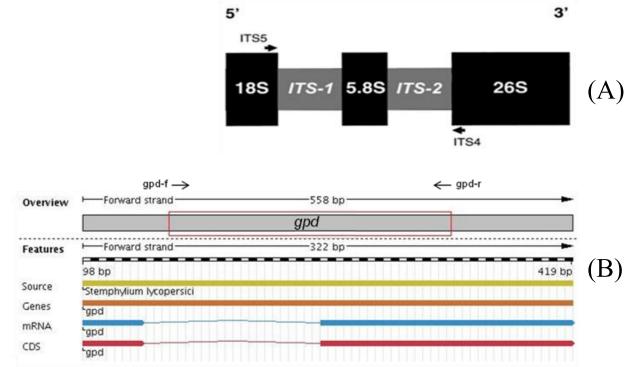








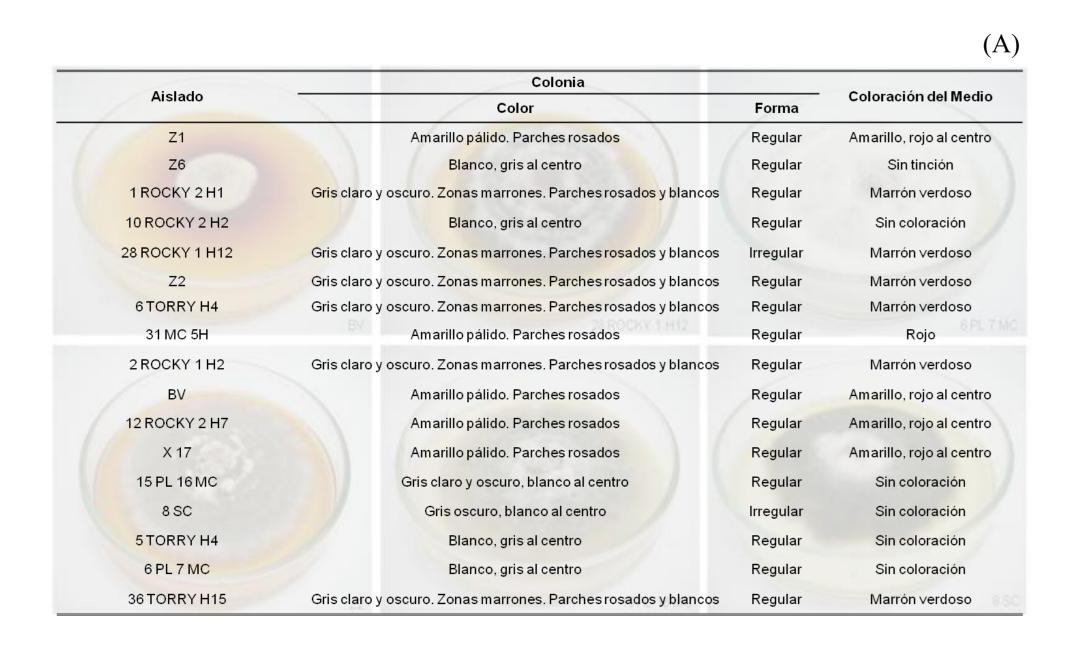
Clave de integrantes del completo *Stemphylium* generada en base a Caracteres morfológicos de los conidios.

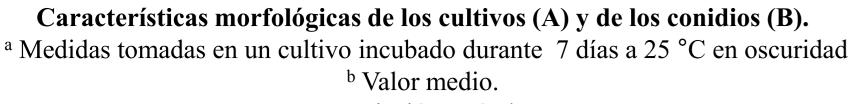


Esquema de los marcadores moleculares estudiados. Espaciador transcrito interno (A) y Gliceraldehído 3fosfato deshidrogenasa (B).

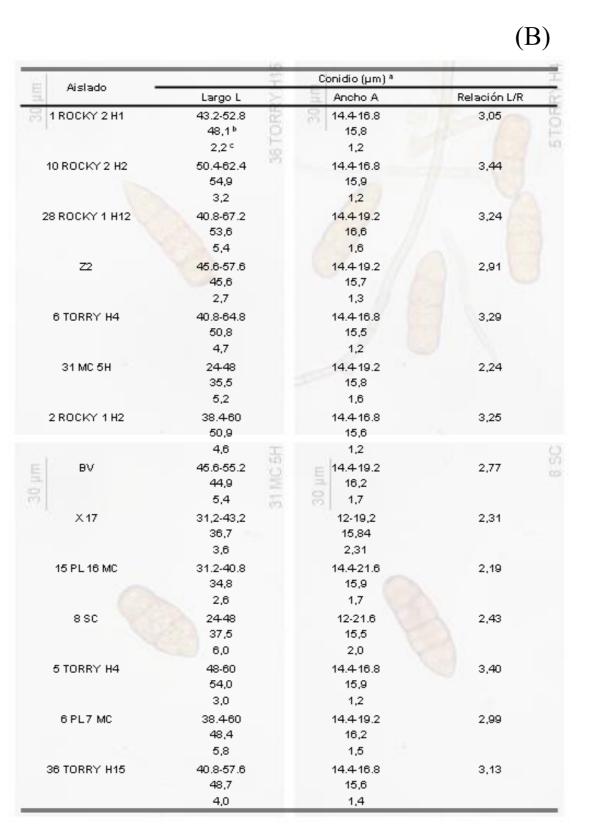
Pyrenophora janponica DAOM 169286

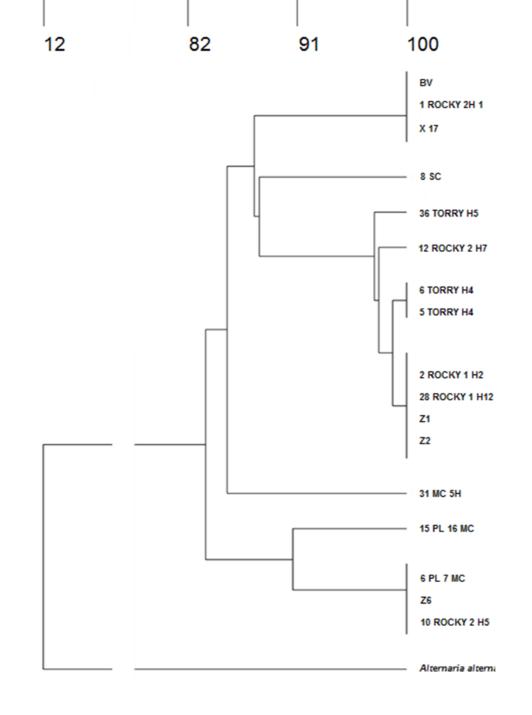
#### RESULTADOS





<sup>c</sup> Desviación estándar.



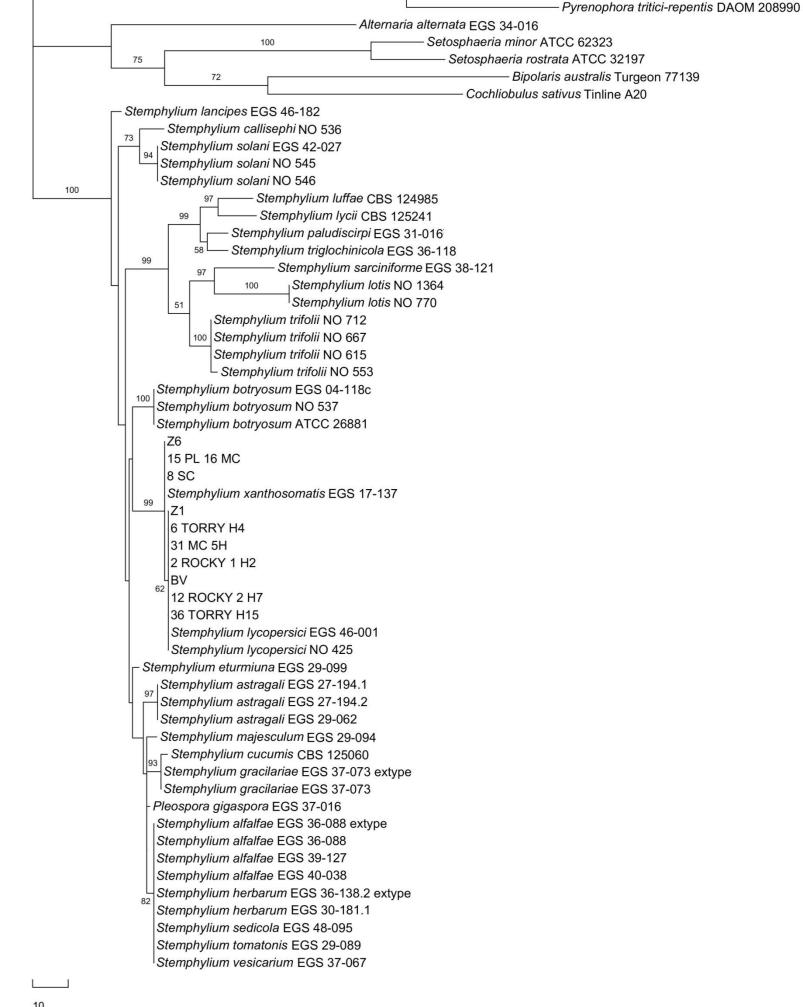


Diversidad de los aislamientos de *Stemphylium* en base a marcadores ISSR (6 primers. 35 bandas; 15 polimórficas)

## CONCLUSIÓN

En base a criterios etiológicos, morfológicos y moleculares se identificaron a los hongos patógenos aislados como Stemphylium lycopersici.

Las características morfológicas y los marcadores ISSR mostraron la diversidad intraespecífica de los aislados.



Árbol filogenético de Máxima Parsimonia generado combinando las secuencias gpd e ITS. Longitud del árbol = 737 pasos; IC = 0,7286; IR = 0,8084; ICR= 0,5890. Los valores de bootstrap (>50%) de 1000 replicas fueron incluidos en los nodos. PHT: P value = 0.350000.