

COMUNIDADES FÚNGICAS ASOCIADAS A LA DESCOMPOSICIÓN DEL RASTROJO EN MONOCULTIVO Y DISTINTOS SISTEMAS DE LABRANZA (Fungal communities, related with the degradation of wheat crop residues under monocrop and no-tillage and conventional tillage).

C. A. Cordo^{1,2}, M. R. Simón^{1,3}, H. O. Chidichimo^{1,3}, L. Fernández^{1,2}. 1 Facultad de Ciencias Agrarias y Forestales de La Plata, calle 60 y 119, 1900 La Plata. 2 Centro de Investigaciones de Fitopatología (CIDEFI), Comisión de Investigaciones Científicas de la Provincia de Buenos Aires (CIC). 3 Cerealicultura. criscordo@infovia.com.ar

Los microorganismos del suelo son fundamentales en la degradación enzimática de restos vegetales y su reciclado desde la fracción mineral del suelo. Su actividad depende del desarrollo del cultivo, el tipo y manejo del suelo y el macro y microclima del lugar. Los hongos celulolíticos son uno de los principales grupos involucrados en la degradación del rastrojo. El conocimiento de la tasa de descomposición de los residuos es fundamental para planificar su adecuado uso. El objetivo del presente trabajo fue cuantificar e identificar la población fúngica asociada a la degradación del rastrojo de trigo, bajo monocultivo, dos sistemas de labranza y dos dosis de fertilizante. El ensayo consistió en 2 tratamientos de labranza, 2 de fertilización, 2 variedades y 2 ambientes de cultivo (monocultivo con y sin recultivo), según un diseño experimental en bloques al azar con 3 repeticiones y un arreglo factorial de 2x2x2x2x3. En total, 24 tratamientos para cada sistema de cultivo que fueron muestreados cada 4 meses, durante un año de la iniciación del ensayo. El número total de microorganismos aislados de muestras de rastrojo bajo SD(308750 u.f.c./g.r) fue superior con respecto al número aislado desde SC(231250u.f.c/g.r). Por el contrario dicha cantidad no varió según se tratara de uno u otra variedad. La frecuencia de microorganismos aislados desde muestras provenientes de parcelas con N0 (221259 u.f.c./g.r.) fue menor comparadas con las obtenidas desde parcelas fertilizadas con N160 (318750u.f.c./g.r). Se describieron 22 géneros fúngicos, con diversidad de especies. Se detectaron patrones de comportamiento para grupos de microorganismos dentro de las interacciones labranza x fertilizante. La microbiota estudiada forma una comunidad característica del sistema del cultivo de trigo y del suelo utilizados en este ensayo.

Financiamiento: CIC